

RAMQ		DOSSIER			
SITE		Nº CHAMBRE/CIVIÈRE			
DATE DE NAISSANCE			SEXE	мП	F□
	AAAA/MM/JJ				
NOM		PRÉNOM			
NOM DE LA MÈRE					
ADRESSE					
NO CIVIQUE/RUE		APT			
CODE POSTAL		TÉLÉPHONE			

REQUÊTE D'ANALYSE EN ONCOGÉNÉTIQUE OPTILAB CAPITALE-NATIONALE

Date Nom/Prénom Date/Heure prél Nom/Prénom No. permis Nom de la clinique Nom/Prénom No. permis Nom de la clinique Nom/Prénom No. permis Nom de la clinique Nom de la de la membiante Nom de la clinique Nom de la		0	LAD CAI IIALL II	AHONALL				
Date/Heure prél Nom/Prénom No. permis Nom de la clinique		Centre prélev	eur		[Date		
Médecin(s) en copie :	R.				EUR	Nom/Prénom		AAAA/MM/JJ
Médecin(s) en copie :	LEVE	Date/Heure p	rél	A A A A / MAM / II	RIPT	No. permis		
Prélèvement: 3 ml de sang complet dans UN tube lavande (EDTA K2) est requis; Conservation: 24 heures à la température ambiante à 4°C pour un maximum de 7 jours. Acheminez le prélèvement au Laboratoire de génétique du CHU de Québec-CHUL (local P-9740). SECTION OBLIGATOIRE À COMPLÉTER URGENT: OUI NON Résultat génétique requis pour déterminer le plan chirurgical et/ou le plan thérapeutique à court terme Autre(s) raison(s), spécifier: ETHNICITÉ: Canadien français, Européen, Latino-américain, Autochtone d'Amérique, Asiatique, Arabe, Africain/Afro-américain, Juif ashkénaze, Autre: Indications cliniques et historique familial: Indemne Cancer (précisez:	PRÉ	Nom/Prénom		Purpury (VIIVI) 33 FTT . IVIIVI	PREC	Nom de la clinique		
a 4°C pour un maximum de 7 jours. Acheminez le prélèvement au Laboratoire de génétique du CHU de Québec-CHUL (local P-9740). SECTION OBLIGATOIRE À COMPLÉTER URGENT :	Médeci	n(s) en copie : _		No.permis :		Nom(s) de la clinique	:	
URGENT: OUI NON Résultat génétique requis pour déterminer le plan chirurgical et/ou le plan thérapeutique à court terme Autre(s) raison(s), spécifier: ETHNICITÉ: Canadien français, Européen, Latino-américain, Autochtone d'Amérique, Asiatique, Arabe, Africain/Afro-américain, Juif ashkénaze, Autre: Indications cliniques et historique familial: Indemne Cancer (précisez: Demande d'analyse pour variant(s) spécifique(s) (DGFAM) (Si le cas index a été testé dans un autre laboratoire, joindre une copie du rapport moléculaire avec le présent formulaire) Mutation familiale connue (indiquez le numéro du cas index si testé à notre laboratoire: Variation trouvée par un test somatique (joindre le rapport du laboratoire) Variant(s) Gène Transcrit Changement nucléique Changement protéique recherché(s): Pour l'analyse d'un gène complet, demandez l'analyse par panel de gènes, panel Gènes Spécifiques (voir plus bas). Demande d'analyse par panel de gènes (ONCOG): (sélectionnez le(s) panel(s) demandé(s) sur les pages suivantes)								
Résultat génétique requis pour déterminer le plan chirurgical et/ou le plan thérapeutique à court terme Autre(s) raison(s), spécifier : ÉTHNICITÉ: Canadien français, Européen, Latino-américain, Autochtone d'Amérique, Asiatique, Arabe, Africain/Afro-américain, Juif ashkénaze, Autre: Indications cliniques et historique familial : Indemne Cancer (précisez: ANALYSE DEMANDÉE Demande d'analyse pour variant(s) spécifique(s) (DGFAM) (Si le cas index a été testé dans un autre laboratoire, joindre une copie du rapport moléculaire avec le présent formulaire) Mutation familiale connue (indiquez le numéro du cas index si testé à notre laboratoire : Variation trouvée par un test somatique (joindre le rapport du laboratoire) Variant(s) Gène Transcrit Changement nucléique Changement protéique recherché(s): Pour l'analyse d'un gène complet, demandez l'analyse par panel de gènes, panel Gènes Spécifiques (voir plus bas). Demande d'analyse par panel de gènes (ONCOG): (sélectionnez le(s) panel(s) demandé(s) sur les pages suivantes)				SECTION OBLIGATOR	RE À	COMPLÉTER		
 □ Demande d'analyse pour variant(s) spécifique(s) (DGFAM) (Si le cas index a été testé dans un autre laboratoire, joindre une copie du rapport moléculaire avec le présent formulaire) □ Mutation familiale connue (indiquez le numéro du cas index si testé à notre laboratoire :	☐ Rés ☐ Au ÉTHN ☐ Afr	sultat génétiq tre(s) raison(s I CITÉ:	ue requis pour déte), spécifier : dien français, Eu éricain, Juif ashk	ropéen,	in, 🗆	Autochtone d'Amérique,	☐ Asiatique, ☐ Arab	
copie du rapport moléculaire avec le présent formulaire) Mutation familiale connue (indiquez le numéro du cas index si testé à notre laboratoire : Variation trouvée par un test somatique (joindre le rapport du laboratoire) Variant(s) Gène Transcrit Changement nucléique Changement protéique recherché(s): Pour l'analyse d'un gène complet, demandez l'analyse par panel de gènes, panel Gènes Spécifiques (voir plus bas). Demande d'analyse par panel de gènes (ONCOG): (sélectionnez le(s) panel(s) demandé(s) sur les pages suivantes)				ANALYSE DE	MAN	DÉE		
Variation trouvée par un test somatique (joindre le rapport du laboratoire) Variant(s) Gène Transcrit Changement nucléique Changement protéique recherché(s):					i le ca	index a été testé dans un a	utre laboratoire, joind	re une
Variant(s) Gène Transcrit Changement nucléique Changement protéique recherché(s): Pour l'analyse d'un gène complet, demandez l'analyse par panel de gènes, panel Gènes Spécifiques (voir plus bas). Demande d'analyse par panel de gènes (ONCOG): (sélectionnez le(s) panel(s) demandé(s) sur les pages suivantes))
Pour l'analyse d'un gène complet, demandez l'analyse par panel de gènes, panel Gènes Spécifiques (voir plus bas). Demande d'analyse par panel de gènes (ONCOG): (sélectionnez le(s) panel(s) demandé(s) sur les pages suivantes)			•			•		
Demande d'analyse par panel de gènes (ONCOG): (sélectionnez le(s) panel(s) demandé(s) sur les pages suivantes)			Gène	Transcrit		nangement nucléique	Changement pro	otéique
(sélectionnez le(s) panel(s) demandé(s) sur les pages suivantes)		•		<u> </u>	el de	gènes, panel Gènes Spéc	ifiques (voir plus ba	s).
Exclure l'analyse des variants de signification incertaine (VUS)								
		-		=	-			
Analyse réflexe demandée si résultat négatif (précisez le panel reflex) :		nalyse réflex	e demandée si résul	tat négatif (précisez le par	nel re	lex) :		

Nom: Prénom: # Dossier:

DONNEES D'ANALYS	SE TUMORALE et D'IMMUNO-HISTOCHIMIE (IHC) (Lorsque disponible)				
_	ancer colorectal (CCR) ou polypose SANS mutation BRAF ³ ou hyperméthylation promoteur MLH1 ancer de l'endomètre SANS hyperméthylation promoteur MLH1				
Absence PMS2 Absence MSH2 Absence MSH6	☐ Absence MSH2/MSH6 ☐ Toutes absentes ☐ Autres informations (précisez) : Absence MLH1/PMS2 ☐ Absence MLH1				
PANELS OFFERTS	INDICATIONS CLINIQUES POUR ÉLIGIBILITÉ AU TEST (Critères RQDM)				
(gènes inclus)	(Test indiqué si le patient répond à au moins 1 des critères ci-dessous)				
GÈNE(S) SPÉCIFIQUE(S)	Gène(s) demandé(s) (doit être couvert par un panel) :				
SEIN (13 gènes; ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, CDH1, CHEK2, NF1, PALB2, PTEN, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53)	Usager atteint de cancer du sein (in situ ou invasif) 50 ans et moins; préciser l'âge d'apparition : Triple négatif Masculin à tout âge Après l'âge de 50 ans ET antécédent familial de cancer pertinent (au moins 1 apparenté avec cancer de l'ovaire, pancréas OU au moins 2 apparentés avec cancer du sein et/ou prostate) Multiples primaires du sein dont la première à 65 ans et moins				
OVAIRE	65 ans et moins avec histoire familiale limitée ou adoption				
(12 gènes; BRCA1, BRCA2, BRIP1, EPCAM, MLH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2, RAD51C, RAD51D, TP53)	Usager atteint de cancer de l'ovaire/trompe/péritoine (NB: Il n'est pas indiqué de faire des analyses génétiques sur une tumeur « borderline » de l'ovaire) Épithélial à tout âge Endométrioïde à tout âge Usager indemne et histoire familiale de cancer du sein ou de l'ovaire/trompe/péritoine (Cas index non disponible ou non testé)				
SEIN ET GYNÉCOLOGIQUE (19 gènes; ATM, BARD1,	Cancer du sein chez 2 apparentés de 1 ^{er} /2 ^e degré ¹ avant l'âge de 50 ans Cancer du sein chez 3 apparentés de 1 ^{er} /2 ^e degré ¹ dont au moins un diagnostiqué avant l'âge de 50 ans Cancer de l'ovaire/trompe/péritoine chez 1 apparenté de 1 ^{er} degré ¹ atteint à tout âge 1 apparenté de 1 ^{er} degré ¹ ayant présenté À LA FOIS un cancer du sein ET de l'ovaire à tout âge				
BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CHEK2, EPCAM, MLH1, MSH2, MSH6, NF1, PALB2, PMS2,	Cancer du sein avant l'âge de 60 ans ET 1 apparenté de 1 ^{er} /2 ^e degré ¹ avec cancer de l'ovaire à tout âge Cancer du sein chez 1 apparenté masculin du 1 ^{er} degré ¹ 2 apparentés de 1 ^{er} /2 ^e degré ¹ avec cancer de l'ovaire à tout âge				
PTEN, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53)	Autre situation : Usager ne remplissant pas les critères ci-haut mentionnés et dont la probabilité cumulative est d'au moins 5% de présenter un variant pathogénique basé sur les modèles de prédiction du risque (Tyrer-Cuzick, BRCAPro, CanRisl				
ENDOMÈTRE (10 gènes; BRCA1, BRCA2, EPCAM, MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, PTEN, RAD51C, RAD51D)	Usager atteint de cancer de l'endomètre 50 ans et moins Après l'âge de 50 ans ET antécédent familial de cancer du spectre de Lynch² Usager indemne et histoire familiale de de l'endomètre (cas index non disponible ou non testé) Au moins 1 apparenté 1er degré¹ avec cancer de l'endomètre à l'âge de 50 ans et moins Au moins 1 apparenté 1er degré¹ avec cancer de l'endomètre ET cancer spectre Lynch² métachrone ou synchrone Au moins 2 apparentés 1er/2e degré¹ avec cancer du spectre de Lynch² dont un à l'âge de 50 ans et moins Au moins 3 apparentés 1er/2e degré¹ avec cancer du spectre de Lynch² à tout âge				
PROSTATE	Usager atteint du cancer de la prostate 50 ans ou moins				
(11 gènes; ATM, BRCA1, BRCA2, CHEK2, EPCAM, HOXB13, MLH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2)	Cancer de la prostate après l'âge de 50 ans ET antécédent familial de cancer pertinent (au moins 1 apparenté: ovaire, pancréas, OU au moins 2 apparentés: sein, colon/petit intestin, l'estomac, voies biliaires, endomètre, rein, urothélial ou prostate) Usager indemne et histoire familiale de cancer du sein/de l'ovaire/trompe/péritoine/prostate/pancréas (cas index non disponible ou non testé)				
	☐ 1 apparenté de 1 ^{er} degré avec un diagnostic de cancer de la prostate avant l'âge de 50 ans ☐ Au moins 3 apparentés avec un cancer du sein, colon/petit intestin, estomac, voies biliaires, pancréas, ovaire, endomètre, rein, urothélial ou prostate. Autre situation:				
	Usager remplissant les critères pour un test somatique (cancer de la prostate métastatique ou usager sous ARAT et présentant une progression biochimique ou radiologique) mais chez qui le test somatique n'est pas possible .				



RAMQ		DOSSIER			
SITE		Nº CHAMBRE/CIVIÈRE			
DATE DE NAISSANCE			SEXE	мП	F□
	AAAA/MM/JJ				
NOM		PRÉNOM			
NOM DE LA MÈRE					
ADRESSE					
NO CIVIQUE/RUE		APT			
CODE POSTAL		TÉLÉPHONE			

REQUÊTE D'ANALYSE EN ONCOGÉNÉTIQUE OPTILAB CAPITALE-NATIONALE

COLORECTAL	Usager atteint de cancer colorectal (CCR)
	☐ 50 ans et moins
(18 gènes; APC, BMPR1A,	Après l'âge de 50 ans ET antécédent familial de cancer du spectre de Lynch ²
CHEK2, EPCAM, GREM1,	Après l'âge 50 ans ET présence d'un autre cancer du spectre de Lynch² métachrone ousynchrone
MLH1, MSH2, MSH3, MSH6,	Usager indemne et histoire familiale de cancer colorectal (cas index non disponible ou non testé)
MUTYH, NTHL1, PMS2,	Au moins 1 apparenté 1 ^{er} degré ¹ avec CCR à l'âge de 50 ans et moins
POLD1, POLE, PTEN,	Au moins 1 apparenté 1 ^{er} degré ¹ avec CCR ET cancer spectre Lynch ² métachrone ou synchrone
SMAD4, STK11, TP53)	Au moins 2 apparentés 1er/2e degré¹ avec cancer spectre de Lynch² dont un diagnostiqué à l'âge de 50 ans et
	moins
	Au moins 3 apparentés 1er/2e degré¹ avec cancer spectre de Lynch² à tout âge
	Autre situation :
	Usager ne remplissant pas les critères ci-haut mentionnés et dont la probabilité cumulative est d'au moins 5%
	de présenter un variant pathogénique basé sur les modèles de prédiction du risque (PREMM5, MMRpro,
	MMRpredict)
POLYPES	Usager atteint de polypose
COLORECTAUX	Au moins 10 polypes adénomateux du colon
	Diagnostic clinique de polypose adénomateuse familiale (PAF)
(10 gènes; APC, BMPR1A,	Au moins 2 polypes hamartomateux
GREM1 MUTYH, NTHL1,	Au moins 5 polypes juveniles; Veuillez préciser l'âge précoce d'apparition :
POLD1, POLE, PTEN,	Usager indemne et histoire familiale de polypose (cas index non disponible ou non testé)
SMAD4, STK11)	Au moins 1 apparenté 1 ^{er} degré ¹ avec 30 polypes ou plus
PANCRÉAS	Usager atteint de cancer du pancréas
	Exocrine à tout âge
(12 gènes; ATM, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, EPCAM,	Usager indemne et histoire familiale de cancer du pancréas (Cas index non disponible ou non testé)
MLH1, MSH2, MSH6,	Cancer du pancréas chez 1 apparenté de 1er degré ¹
PALB2, PMS2, STK11, TP53)	
GASTRIQUE	Usager atteint de cancer gastrique
–	50 ans et moins
(13 gènes; APC, BMPR1A,	Cancer gastrique et cancer du sein dont un avant l'âge de 50 ans
CDH1, CTNNA1, MLH1, MSH2, MSH6, MUTYH,	Après l'âge de 50 ans ET 1 apparenté 1 ^{er} /2 ^e degré ¹ avec cancer gastrique
PALB2, PMS2, SMAD4,	Après l'âge de 50 ans ET antécédent familial de cancer du spectre de Lynch ² ou cancer dusein
STK11, TP53)	MSI/IHC anormale et SANS mutation BRAF ³ ou hyperméthylation promoteur MLH1
	Usager indemne et histoire familiale de cancer gastrique (cas index non disponible ou non testé)
	1 apparenté de 1 ^{er} /2 ^e degré¹ atteint à l'âge de 40 ans et moins
	2 apparentés de 1 ^{er} /2 ^e degré ¹ atteints à l'âge de 50 ans et moins
	3 apparentés de 1 ^{er} /2 ^e degré ¹ atteints à tout âge
1- Individus qui sont du me	ême côté de la famille : 1er degré : enfants, fratrie, parents; 2e degré : petits-enfants, neveux/nièces, oncles/tantes, grands-parents.
	ynch incluent : colorectal, endomètre, ovaire, estomac, intestin grêle, voies urinaires, voies biliaires, cerveau, peau (adénomes
· ·	pacés et kératoacanthomes), pancréas et prostate.
3- Tous les cancers présen	tant une mutation BRAF sont considérés comme sporadiques et indiquent un cancer non héréditaire.